

cyclin genomic with promote Map (1 > 10740) Site and Sequence

Enzymes : 5 of 390 enzymes (Filtered)

Settings : Circular, Subrange Context, Certain & Uncertain Sites, Standard Genetic Code

ATCCTTCTCCGCCTTATTATTATTTGTTGACGCTATCATCACTGATGCATCACACCCCTATGAATATTAATCAATTATTTAGACCAAATA

90

ATGGATAATTTTACGCAAGAAAATAATATCAATAAAAAATATGTTTTACATTGACGAAACAATCATGGAAATAGAGGCGTAGAGTGCGCG

180

GAATGGTGGTGAAAGTTTGTGGACTTTTTCTGTACGGCGTTTCTAACGATTTGTTTCGACGTTAGGACAAC TTCGGCGTAGAAGTTAC

270

GCGGAGTTGTGCGGAGGAGAGGTGAGGGTGAGACATAGAGAGAGAAGAAGCAATAAGAGATTCGTTTTGTTCAACCACAACCATTTAAA

360

AAAAAATATTTTCACTCAATCTCTCTATATGTGTATAATTACATGAATCGAGTGAGGGATCTTATATATATGCTTTTATGTGTGCGCACA

450

AGTAGCGCCGCCAGCTTGCATATCATTTTTTAAAAGAGAAAAAGACTAAATACTTATCTAATTGTTGACATCATTTTTTGATGGCTTTT

540

TTTTACTATTGAATTTTTGTTAATTTTAAAATATTTGATTAGTATTTACAAAAAAGACTTTTTCCAATTCATTATTTTTGTATTTT

630

TAAAAATTTAAAATGAATTTTTCCAATTTGTTTTGTTCTCTATCAATGTTTGTGTGTATATGATCACTAGGATGATCTATCTATATGA

720

GGGAATAGAGAGTGGTGGTGGGGATTGAGAGGGATAAGTTGAAAAGTGAAAACGATGCTTCACTTGTTCATTGCGAATAATATTTGTG

810

TTATGGCCACCTTGAATCTTTTTGAAATCTCAACTACTACTCTGACTATTATACTTTTTTGGTTCATATATTAGTTAATTAGTCTAATC

900

AACTACGATAACCTTAATCCTAACAAAGTAATACCTAAAGCTGATTTAATGACAGAAATTCATATATAGCCTCATGTCTTTTTTACCAACC

990

ATACAATTTTTACAAACGTCCATTTGCGTCTTGCTATTTTCAATTTAAATGTTTACTACGTACACTACACATGGTCCGAAACAGT

1080

TGACATGGTCATGGCTTTATTAAGGGCTGTTTTACTTTGTTTCAGAAGCTAATGGTTTCTAGATTTAAAGTTTTCTTTATCTATGGTTAC

1170

TGGTTAGGCGATAAATTATTGTTATTGATATAGACTTTAGTTGACGTTTTAAAAAAGAAACAAAAACTTTAGTTGACGAGAATAGTTATAC

1260

TTTAAGAGTTTAGAGCAGTCATTCAAATGGGAGACTACTGCATCTGCATGCAAGTAAAGGCAATCACGCTTCTTTCTGTTATTTGTCAT

1350

Cla I

TTATCTTATATTCTTTTCTAAGAAAACCATGTCCTTTATCCAATCGATCGAGAAAAATGATAAATCATTTAACCATATATATACATGTAT

1440

GTCCTAATCAGTCAAAACTTTATGTCTGGCTTTTTAAAATGCAAGAAAATTAATTGATTTCTGGGAAGATAATTCATTTGCGCTGACTGT

1530

Cla I

AATTTTAAACTAAGAGGACAAC TTCATACTTAACTAAAAATCGATTACCATTTTTTTTTATGATGGCAAGGATCTATATTACATCAGAAT

1620

GACGAGATCAGAATGCAACAAAAACAAAAAAACTATATTACATATATAGTTGTGAAAAGATCAGTTTTCAATATAATGTTTCATTCTGGAT

1710

ATAGAGGTTAAACAAGTCAGGCCATAATTAGCTAATTATTCAATTTTATCAAACCTTACATGTCTGTAGCATTCTCTGCTAAAAGGCC 1800

CGCATCATAGAGAAAAAAGAGACATGCACGTTGTCTTTAATCAATTAATCTACATGTTGTGTCTACAACATTATTAATATACTACA 1890

GCCAAAATGCTATATGTTTGAAGTCAATATTAGGATCGTTTCGCATGGAGTACTTAGAATGCATGTATCATTGTATCTTGTCAATTACC 1980

TTAGCGATTCACTAAAATTTTCTTCTCTATTAACCTCTACACATACATGGGTTTGTGATAAATTTTAATTAACACTATTAACCTATAG 2070

ACTCTACACATACATGGGTTTGAATAAATATAAAACAGAAATTTATGTGATCGAGTGAATTGTAGAACCCTAATTCGTTAATGAGTATA 2160

GTCTTTAGATTGCTTCTGTGCATAGCATTGTTTATATATATACAATAACTAATGATATTTGTAGTTACATGTTTTGATACAAGTTT 2250

CAGTGACATGTATACCTATAAGCCGTGCTTATGATTTATGATGAAAGTTATAACGCCAATAATTACTTAGAAAGAGAGGATCTCATTTC 2340

GGTATGTTTTCTTTGTCAACCCTTCCAATATGTTAATATATAATATAATAGTGTGTTGAATTCTATAATTGGATTCTCATTCTTTCC 2430

AAATCGTTTACAAAATACTATAATCTAATTTAGATTTAATTTACCAATTCATTAGATTACTTAGATAACACGCGTAGAGACTCTTGACC 2520

ATGAAACAGTAAACAATATAATGTTTGTACTTAAATAAAACAAATAGTTGTAAGAAAGACCAATATAGGATGACTTGTACGTTTTCTATA 2610

ATTTTTCTAAATAATGCAAAATCGGATTAACATGTGCCACGTGATTTAAAGAAAAAGACCAACACAAAAGGAATCTTTTTCTGCAAAGT 2700

GTGACATATTTATATAAAGTATCATAGATTATATGATTATATCTATAGTCTATTGTCATGATTACGTATTACATATGATAATTCATGC 2790

TGCAATACAATACAATTTATAACAAGCAAAATAATATAGATTTTGAATGCATGCTATAGAAAAGTATCCAACGTAACAGAGATCCACATAT 2880

AGATTTGAGCATCTTTGAATTTTGAATGTGAAATAATCTAAGTCTAAGCTATATTAATGATGATCATTTTCATACTACAATGTCTTACGGG 2970

TCTTGCTATATTATTGGGCTTTATAATAGGCTTTTACGGGCCGAATGATTTACTGAAACCATGATCCATTAGAAAAATCTCCCCGCC 3060

ATGACCTTATCCATGGAACCTCTGCAATCTTCTCGTTACCATTTTCTTCTACTGCTGCAAAAATCGTGTCTTTTGGCGTGTCTCGAGTCG 3150

AATTGGATGATTTGATTCTTAATTTTTGTTGATAGTAACAGTCTAAAGAAGCAATGGAGCTTTGTTCTTCATCTCCATCTTCTCTCTC 3240

CTTCGATTTGTTTCATCTTTCAGCACCAGAAATCTCATTTCATCTTCAATTTCTCAGTTCCCATCTAAAACCAATCGATTCTCACAAAA 3330

TCCAGATTCAAAAATCTCCGAATTTGCGCTTCCGTGACGGCGGAGACTCAAGGTCTTCCACGAGACAGCCCTCAACGTCTCTCAAAGAG 3420

EcoR I

Cla I

CTAGCACAGCGTAAAACAGCGACAGGACCGAAGAAAAAGGTTCCCTCCTAACGATTCATCTTAAGGCCACCATTAGACGATAAGAAATTA 3510

GCTGAGAGATTCCCAATAGTCCACAATTGTCTCTGAAGTCGTTTCTTTACTTAGCTCTTGTCTTCCATCGTCAAAGCTTAACAACGCT 3600

Cla I

GATAAAACATGGATCGATGAGTATCTTCTTGAAGTTAAACAAGCTTTAGGGTATTCTCTGGAACCTTCAGAGAGTTTAGGAGATGATAAT 3690

CCGGCGAAACACTTTGATACGTTGCTCTATCTTGCTTTCCAGCATCCGTCTTGTGATAGAGCACGTGCGAGGCATGTGAAGAATGGGCAC 3780

TCGAGGCTTTGGTTTCTGGGTCAGTATGTGCTTGAGCTTGCTTTACGGAGTTTTTCTTGCAGAGGTATCCGAGGGAATCTCCGGGACCT 3870

ATGAGGGAGAGAGTGTGGCTTTGATTGGGAAGAGGTATCTCCCGAAATGGATTAAAGCAGCGAGCTTGCAAAATCTCATCTTTCCTTAT 3960

GATGATATGGATAAGTTGATTAGGAAAGAGCGTGAGCCACCGGTTAAGTAAGTTTCTTCTTTGACAATGATGATTATTTTCAGTTGAGT 4050

ATTAGTCCATAGTTTGGTTGCTTTGAACTGAGTTTTTTAGCTTTAATGGAACACTAGATGTGTTCCATTCTCTCAAGAACTTGCTAT 4140

GTATCTAACATTGTGTTTAGATAAGCCCAAATCCCACCATGAGTTGTTATGACGCCAAGAACTTTTAGCTGATCAAAGATTTCTCATCTT 4230

GGATTATGATCAGTCTTATCTGCTTGTAGTCTGTCATCATTTGGATTAAGTTTTCTCTTCTTTAATGATGATGATTATTTCACTTGAGT 4320

GTTAGTCCATACTTTGGTTGCTTTGAGCTGAGACTTTAGCTTCATGGAATAAACAATGATATGTGTTAATATCTGGTTTTGCTGTATAT 4410

GGAAC TAGTAGATCCTGTCAAGAACTATATTCTGTGTTTAGATAAGCCCAAGTCTCACTATGAAAGCTTTTAGCTGTTCAAGGTTTCTC 4500

ATCTTAGATAAGATCTGTCTTATATGTTTGTAGTGTGTCATCATTTGTTTAGTTATTTGATTGAAAGGGGCTTTGTGATAGCTGGTGCTA 4590

ATTATCTAGGTTGGGCTTTCCATTTGGTTGAATTAATGACTGAAAACCTTGACGAGTCTGTGCATCCAATGTCTCATAAGTGACATGTA 4680

CTTATCCATGTTAATTTCTTTTGTCTGGCTAGATCTGTGTTCTGGGCTTTGTTTGGTGCCATCTATCTATGTTTTGGGATGCCGGAAGT 4770

BamH I

GTATCGTGTACTTTTTGAGGTGTTTGGGATGGATCCAGATGCTGATGAGTGTGACGCTCGAAGCAGGAGACAGCTCGAGGATGTAGATTA 4860

TGTTTCTGTTGAATTTGAAGGGAAAAAGCTAGGTTGGCAAGATATTGCTACTTACAAGGTAATAAAAACCTGCATGATATAACAAAATCAC 4950

AGTCTACTTCTTTGGTCTATCTAACAAGAGTGATTTCTTTATTTTTCTCTGTTGCTTCAGCCTCCTGAAGATGCTTTATTCGCACACC 5040

CTAGGCTATTCAGAGCTTGTGTTCCACCGGAATGCATCGTTTCAGAGGGAACATATGGGATTTTGACAGCAAACCAAAAGTTATGCAGA 5130

ATGGGATCTTTGCAGTTGAAAGTTCATCTCTCTAAAGTCAAGAAAACATTAACCTAACAAAATGAGGACAAACTTTTACCAATTTTCACAT 6930

TTATAGAAAAATATTCAACTCACCTTTGATTTCTTCAGGGGCTCAGCTGAATCTAGTTTTCAATGGTTGCAGAACAAAATGAAAATGAAAA 7020

TTTTAGTATCTCAAAATCTAGTTTCTATTTTTTTTTGGTGACATTAATCAATGATTTCAAATAACTAAAAACCTCAGAATAAACTCAATT 7110

CCATCTTAAAACCAACAACCTTTCATAACCGAGGAATGACGAAAAACAAAATAATAGAGGAGGAGCATCACTACTATTTTCATTTTTTTA 7200

GCCAATCAGAGCGCACCAGAAAACGCCACTCGCACCAACCTCGTGCCACGCGCTACAGACCAGCCCACCTCGCACCAACCTCGCGTTGA 7290

GCGCGTGTCGTCGATTTCTGTAGGGGTAAACCCACAAAATCATGCTTATTTTACATCTACTCGCTTTGTTTCCAAAACAGTCTCGAGTGA 7380

CTTTTTTTTTGTTTTTTTTTCTCTAAACCGTACTAATTCTAATGCAAACCGAACCAAAAATCAATTTTCATTTCAAACCATGTAAACCA 7470

AACAGAGATCAACATCTAACTAACCGGATTTAACTAGCAATCTAATTCACACAAATCTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTATATCCTTCACA 7560

GTCAATAAAAAGAATAAGTGGGCCGTTGTGACTTCAAATCCCAATAGTAAAAAGCCCGATTTCTGTCTCTACAGCCGTAAGGCCCGT 7650

AACAAGCCCACGACCTCTAATTTTTCAAACAATCAGACCGTTGGGGTTCATTTATTTCTTTAATTTGTTTTATTTCTTATAAAAC 7740

GGCTCATCGTCCTCAAGAAGCCTCCTATATAGAAGACGCCCCACTACTTAGACTTTTTCTACTACAAACCTGAGATTTTAGTCTGAGAG 7830

AAAGAGAAGAGAACAACCTAAGATGATGACTTCTCGTTTCGATTGTTCTCAACAATCCACGGGTAAGAGAAAGATCTTTGCTTTTTCTTTTT 7920

M M T S R S I V P Q Q S T
└──────────────────┬──────────────────┘
 exon1

TTAAGGTTTTTACGGACAAAATTTGATTTGGTTTAGTTTGTGATCTTCGATTTTGGTATCTGGGTTTTGTTTCGTTTCTTTCTGTTCTTGT 8010

TATATCTATGAACAACGAAACGAATATGTTGCGAATCAAGTATAAAGTCCGTGGCTTTGACTGGAATTTTCTTGATTTGATATGGCTGAT 8100

GATTGTTGCAAATGAATCTAAAGTTGTTAACTTTGGTTTTGTTTGTGTTGAAGATGATGTTGTTGTGGTAGATGGCAAAAACGTA 8190

D D V V V V D G K N V
└──────────────────┬──────────────────┘
 exon2

GCGAAAGGAAGAAACCGTCAAGTCTTGGTGATATAGGTAATGTTGTTTCGAGGAAATTACCCAAAGAACAACGAAACCGGAAAAGATCAAT 8280

A K G R N R Q V L G D I G N V V R G N Y P K N N E P E K I N
└──────────────────┬──────────────────┘
 exon2

CATCGTCCTCGTACACGATCTCAAAATCCCACGCTTCTTGTGGAGGATAATCTCAAAGTTTGTCTTTTCCCTGTATTTTGGTGAACA 8370

H R P R T R S Q N P T L L V E D N L K
└──────────────────┬──────────────────┘
 exon2

AATTAGGTTTCTTCGTTAGATTTGTTAAACTCATGTCATATGTGTATATGTCTTTGATCTGCAGAAACCTGTAGTCAAGAGAAACGCAGT 8460
K P V V K R N A V
exon3

ACCAAAGCCGAAGAAAGTGGCTGGGAAACCAAAGGTAGTAGACGTGATTGAGATAAGTTCAGACAGTGATGAAGAACTTGGTTTAGTTGC 8550
P K P K K V A G K P K V V D V I E I S S D S D E E L G L V A
exon3

TGCTCGAGAGAAGAAGGCTACTAAGAAGAAAGCGACCACTTACACATCTGTTCTTACTGCTAGAAGCAAGGTAATTTTTTACCTTGTGAA 8640
A R E K K A T K K K A T T Y T S V L T A R S K
exon3

ATGATGATTCTTTAGTGTGAAGTAAGAAAATGTTTTGGTCTGTTCTGAATAAACTTCTTTTGCTTTTCAGGCTGCTTGTGGTTTAGAGAA 8730
A A C G L E K
exon4

EcoR V
Cla I
GAAACAGAAAGAAAAGATTGTTGATATCGATTCTGCTGATGTTGAGAATGACCTCGCAGCTGTGGAATATGTGGAAGATATTTACAGTTT 8820
K Q K E K I V D I D S A D V E N D L A A V E Y V E D I Y S F
exon4

TTACAAGTCTGTTGAGGTTTGTATACTATACTATTCATGAATCTTTCCTTGCAGCTTGTGTTAGTATTAACCTGTTTACTTAAATTATC 8910
Y K S V E
exon4

ATTTGGATTGGCAGAGTGAATGGAGGCCACGAGATTACATGGCATCTCAGCCTGATATTAATGAAAAGATGAGACTGATCCTGGTGGAGT 9000

GGTTGATTGATGTGCATGTCCGATTTCGAGCTAAACCCGAAACATTTTACCTCACTGTTAACATTCTGGATCGGTTCTTGTTCGGTTAAGC 9090

CAGTGCCTCGAAAAGAACTGCAGCTTGTGGTCTCAGTGCCTTCTCATGTGCGCCAAGTATGAAGAAATTTGGCCACCACAGGTGATAA 9180

AAACAGAGAACTTTTGAATCTTCTGGTTTTGATTCTTTTTTGTCTTCGGCTAAATGAAAAGATAATTCTTTTGCAGGTGGAGGATCTAGT 9270

TGATATTGCAGACCATGCATACAGTCACAAACAGATTCTGGTGATGGAGAAGACAATACTGTCTACACTTGAGTGGTACTTGACAGTTCC 9360

GACTCATTATGTCTTCTAGCTCGTTTTCATCAAAGCTTCCATTGCAGACGAAAAGGTAAGAGAGCGTTTTTTTTAGTTTCTTCCATGGTTA 9450

TACATTTTCATCATATTGAACATTCAGTTGTGTTTTGGTTTGCAGATGGAGAATATGGTGCACATTTTGGCTGAGTTAGGCGTAATGCATT 9540

ACGATACGATGATAATGTTTCAGTCCATCAATGGTAGCTGCTTCTGCAATCTACGCAGCAAGATCTTCTCTCCGCCAAGTTCCCATATGGA 9630

CCAGCACTCTCAAGCATCACACTGGCTATTCTGAGACTCAGCTCATGTAAGAAAGTTCTTTCTTTTTTCAATTTGCATCATATGCGTTTT 9720

GCATTTGTGGTTGGATATTCATTCTTGTGTAATGATGAAAAAGGGACTGTGCAAAGCTGTTGGCGTATCAGCAATGGAAGCAACAAGAA 9810

GAAGGGAGTGAGAGCAGTACTAAGGGAGCTTTACGAAAGAAATACTCCAAGGACGAACGCTTCGCTGTGGCTTTGATCCCTCCGGCCAAA 9900

GCTTTGTTGACCGGAACCTGAATCTGCTTAGGAGTTAGGACCCTTTAAGAAGACGAAGAAGCTGAAGAACCAAGCCTAGTTTCATTTTCTT 9990

TCTGAAAATCAAGTCTAGTTTCATTAGATAATGGTATTTTGAACAAGTCTAATGAGTCGCTTTGAAACCTAGTCCTTTAGCATGATTCAT 10080

TCCCAAACACTGCATATCTTGTAAGAAGTCAGTTTCTTCCGAGAAGTTTAATTTCCCTTAGATATAATATTCTGTGGTTTAACTTCTTTAG 10170

TACACATGATTCATTCCCAACACAGAATTTCTTCTTTTTTTTTGATCAAACACCCACAGCAGTATATGTTTCACCATTTCTTGTGTT 10260

CCTTCTGGTCCCGTCCATTCTGGGTTTTAAACCACCTTCTGGTCTGCAAGATCCCCTTAACAACCTAAGCACTCCCATCTTTGGTGAGC 10350

ATTTTGTTAGCCACAACCTCATAAGTCTAAATGGAAGTGCTAGCATCCATGCGGAAATTGTAATCCAATCATCTTTGGATCTTCATCCG 10440

GAAAGGGAGAAGGTTTACCATATTAAGTTCCAAGGCCCTTCTTCTAACCAATTCTTTACACCAATCCAATGTTTTAGATAACCGTGCCT 10530

CGAGGATCTCCAATATTGACCGTTTCTTCTTTTTCATCTTCAAGATCAAGAGTACGATATGCTAGTGTAAAGCAAGTAGATACCTGGGT 10620

GCAGTCTCCTGGAGAATACAAAAAGTCATATATAAGTTAGATTACTTCACAACAACAACCTAATACAGAGATGTAACCAGACTTTATTGA 10710

CTGAGGAAAAATGTGGTCAACGCAGATACA → 10740